

M/S : médecine sciences



Origine des vertébrés : la tunique fait-elle le moine ? Vertebrate origins: does the tunic make the man?

Frédéric Delsuc, Denis Baurain and Hervé Philippe

Volume 22, Number 8-9, août-septembre 2006

Immunologie

URI: <https://id.erudit.org/iderudit/013771ar>

[See table of contents](#)

Publisher(s)

SRMS: Société de la revue médecine/sciences
Éditions EDK

ISSN

0767-0974 (print)
1958-5381 (digital)

[Explore this journal](#)

Cite this document

Delsuc, F., Baurain, D. & Philippe, H. (2006). Origine des vertébrés : la tunique fait-elle le moine ? *M/S : médecine sciences*, 22(8-9), 688–690.

Tous droits réservés © M/S : médecine sciences, 2006

This document is protected by copyright law. Use of the services of Érudit (including reproduction) is subject to its terms and conditions, which can be viewed online.

<https://apropos.erudit.org/en/users/policy-on-use/>

érudit

This article is disseminated and preserved by Érudit.

Érudit is a non-profit inter-university consortium of the Université de Montréal, Université Laval, and the Université du Québec à Montréal. Its mission is to promote and disseminate research.

<https://www.erudit.org/en/>

Notch ayant une ou des fonction(s), dans la cellule où ils sont exprimés, autre(s) que celle d'activer le récepteur, il reste à étudier le lien entre les processus d'endocytose et ces fonctions (adhérence, mobilité, signalisation...). La recherche de partenaires du ligand Delta a abouti à la caractérisation de protéines appartenant à la famille des protéines à domaines PDZ [14, 15] dont on ne sait pas encore si elles jouent un rôle dans le trafic de Delta. ♦

Endocytosis and Notch signalling

RÉFÉRENCES

1. Seugnet L, Simpson P, Haenlin M. Requirement for dynamin during Notch signaling in *Drosophila* neurogenesis. *Dev Biol* 1997; 192 : 585-98.
2. Gupta-Rossi N, Six E, LeBail O, et al. Monoubiquitination and endocytosis direct g-secretase cleavage of activated Notch receptor. *J Cell Biol* 2004; 166 : 73-83.
3. O'Connor-Giles KM, Skeath JB. Numb inhibits membrane localization of Sanpodo, a four-pass transmembrane protein, to promote asymmetric divisions in *Drosophila*. *Dev Cell* 2003; 5 : 231-43.
4. Thompson BJ, Mathieu J, Sung HH, et al. Tumor suppressor properties of the ESCRT-II complex component Vps25 in *Drosophila*. *Dev Cell* 2005; 9 : 711-20.
5. Vaccari T, Bilder D. The *Drosophila* tumor suppressor vps25 prevents nonautonomous overproliferation by regulating Notch trafficking. *Dev Cell* 2005; 9 : 687-98.
6. Lu H, Bilder D. Endocytic control of epithelial polarity and proliferation in *Drosophila*. *Nat Cell Biol* 2005; 7 : 1232-9.
7. Le Borgne R. Regulation of Notch signalling by endocytosis and endosomal sorting. *Curr Opin Cell Biol* 2006; 18 : 213-22.
8. Morel V, Le Borgne R, Schweisguth F. Snail is required for Delta endocytosis and Notch-dependent activation of single-minded expression. *Development* 2003; 130 : 65-72.
9. Bardin AJ, Schweisguth F. Bearded family members inhibit neuralized-mediated endocytosis and signaling activity of Delta in *Drosophila*. *Dev Cell* 2006; 10 : 245-55.
10. De Renzis S, Yu J, Zinzen R, et al. Dorsal-ventral pattern of Delta trafficking is established by a Snail-Tom-neuralized pathway. *Dev Cell* 2006; 10 : 257-64.
11. Overstreet E, Fitch E, Fischer JA. Fat facets and liquid facets promote Delta endocytosis and Delta signaling in the signaling cells. *Development* 2004; 131 : 5355-66.
12. Emery G, Hutterer A, Berdnik D, et al. Asymmetric Rab11 endosomes regulate Delta recycling and specify cell fate in the *Drosophila* nervous system. *Cell* 2005; 122 : 763-73.
13. Chitnis AB. Why is Delta endocytosis required for effective activation of Notch ? *Dev Dyn* 2006; 235 : 886-94.
14. Six EM, Ndiaye D, Sauer G, et al. The Notch ligand Delta1 recruits Dlg1 at cell-cell contacts and regulates cell migration. *J Biol Chem* 2004; 279 : 55818-26.
15. Wright GJ, Leslie JD, Ariza-McNaughton L, et al. Delta proteins and MAGI proteins : an interaction of Notch ligands with intracellular scaffolding molecules and its significance for zebrafish development. *Development* 2004; 131 : 5659-69.

NOUVELLE

Origine des vertébrés : la tunique fait-elle le moine ?

Frédéric Delsuc, Denis Baurain, Hervé Philippe

> Depuis plus d'un siècle, les biologistes débattent de l'origine des vertébrés, groupe animal auquel appartient l'espèce humaine. Au sein des Deutérostomiens (Figure 1), les vertébrés, avec les Céphalochordés et les Urochordés, forment l'embranchement des Chordés (Figure 2A), notamment caractérisés par la présence d'un tube nerveux dorsal appelé chorde. Le plus célèbre représentant des Céphalochordés est l'Amphioxus, qui ressemble superficiellement à une larve de poisson (Figure 1A), tandis que les Urochordés, également connus sous le nom de Tuniciers, sont des organismes marins à distribution cosmopolite.

Avec plus de 2 500 espèces, les Tuniciers présentent une variété morpho-écologique remarquable. La majorité appartient aux Ascidiacés qui, à l'instar de la cione intestinale

(Figure 1B), possèdent des larves pélagiques qui se métamorphosent en adultes fixés au substrat. Toutefois, on dénombre également des groupes de Tuniciers exclusivement planctoniques, tels que les Appendiculaires (Figure 1C). Au sein de l'arbre du vivant, les Tuniciers et les Céphalochordés se situent à la frontière entre « invertébrés » et vertébrés. Ils constituent dès lors des modèles de choix pour comprendre l'origine des vertébrés. Outre les Chordés, deux autres embranchements doivent être considérés dans l'étude de cette question. Il s'agit des Échinodermes (lys de mer, ophiures, concombres de mer, oursins et étoiles de

F. Delsuc : Laboratoire de paléontologie, phylogénie et paléobiologie-CC064, Institut des Sciences de l'évolution UMR 5554/CNRS, Université Montpellier II, Place Eugène Bataillon, 34095 Montpellier Cedex 05 France.
delsuc@isem.univ-montp2.fr

D. Baurain : Canadian Institute for Advanced Research, Département de biochimie, Centre Robert-Cedergren, Université de Montréal, CP 6128, Succursale Centre-ville, Montréal (Québec), H3C 3J7 Canada.
Département des Sciences de la vie, Université de Liège, B22, Sart Tilman, 4000 Liège, Belgique.

denis.baurain@ulg.ac.be

H. Philippe : Canadian Institute for Advanced Research, Département de biochimie, Centre Robert-Cedergren, Université de Montréal, CP 6128, Succursale Centre-ville, Montréal (Québec), H3C 3J7 Canada.
herve.philippe@umontreal.ca

mer, Figure 1D) et des Hémichordés (Entéropeustes et Ptérobanches, Figure 1E).

Selon la vision traditionnelle fondée sur la morphologie comparée, l'histoire évolutive des Deutérostomiens est interprétée comme une marche progressive vers la complexité allant des formes « simples » vers les formes plus « complexes », lesquelles « culmi-



parent » avec les vertébrés (Figure 2A). Dans ce schéma, les Céphalochordés sont considérés comme les plus proches parents des vertébrés au sein des Chordés, ce qui explique que l'Amphioxus soit largement utilisé comme modèle dans les études d'évolution du développement (Évo-Dévo). Cette proche

parenté supposée est cependant essentiellement fondée sur la morphologie externe et sur des caractères partagés, tels que la segmentation du mésoderme en somites, structures embryonnaires situées de part et d'autre du tube neural. Des phylogénies moléculaires fondées sur l'ARN ribosomique [5] ont

bousculé cette vision traditionnelle en montrant que les Échinodermes et les Hémichordés sont en fait apparentés (Figure 2B). Cette révélation a logiquement conduit à la réinterprétation de l'évolution de certaines structures morphologiques, telles que les fentes branchiales, que l'on ne retrouve que chez les Hémichordés et les Chordés, mais qui étaient vraisemblablement déjà présentes chez l'ancêtre commun des Deutérostomiens et auraient été perdues chez les Échinodermes. Récemment, tirant parti des séquences génomiques d'*Oikopleura dioica* représentant un groupe particulier de Tuniciers (les Appendiculaires), nous avons assemblé un grand jeu

de données de 146 gènes nucléaires issus de 38 espèces d'animaux et de champignons dans le but de reconstituer les relations de parenté au sein des Deutérostomiens. En identifiant de manière très robuste les Tuniciers comme les plus proches parents des vertébrés dans la biodiversité actuelle, notre étude phylogénomique fait voler en éclats le dogme qui voyait dans les Céphalochordés le groupe-frère des vertébrés (Figure 2C).

Cette découverte inattendue revêt des conséquences majeures pour l'interprétation des données paléontologiques, morphologiques et développementales. En particulier, une proche parenté entre Tuniciers et vertébrés oblige à reconsidérer la présence des somites, classiquement utilisée pour allier Céphalochordés et vertébrés, comme une caractéristique ancestrale des Deutérostomiens qui aurait été réduite secondairement chez les Tuniciers, les Hémichordés et les Échinodermes. Cette hypothèse est en accord avec la possible présence de structures rappelant les myotomes (structures anatomiques issues des somites), chez le plus ancien Tunicier fossile connu [6]. Nos résultats font par ailleurs écho à la récente détection chez les Tuniciers de cellules migratrices de la crête neurale, jusqu'alors considérées comme caractéristiques des vertébrés, alors qu'elles n'ont pour l'instant pas été identifiées chez l'Amphioxus. Dans ce contexte, les Tuniciers apparaissent non plus comme des organismes « primitifs », mais plutôt comme des animaux à la morphologie très différente des autres Chordés car ils se sont adaptés à un mode de vie spécialisé. À l'inverse, les Céphalochordés auraient conservé de nombreux caractères ancestraux.

En rapprochant les Céphalochordés des Échinodermes, nos analyses phylogénomiques suggèrent par ailleurs une hypothèse d'évolution particulièrement intéressante parce qu'elle invalide la monophylie des Chordés. Si



Figure 1. Quelques représentants de la biodiversité des animaux deutérostomiens partageant le caractère embryonnaire notable que constitue l'ouverture secondaire de la bouche (d'où leur nom) au cours du développement. A. Avec sa silhouette rappelant une larve de poisson, l'Amphioxus (*Branchiostoma lanceolatum*) a longtemps fait figure de plus proche parent des vertébrés. B. Parmi les Tuniciers, la Cione intestinale (*Ciona intestinalis*) est en passe de devenir l'un des animaux modèles les mieux caractérisés sur les plans génomique et développemental [1], notamment après le séquençage de son génome achevé en 2002 [2]. C. L'appendiculaire *Oikopleura dioica* possède un génome dont la taille réduite (estimée entre 51 et 65 mégabases) en fait le plus petit génome de Chordé connu [3]. Son séquençage en cours au Centre national de séquençage d'Evry (http://www.cns.fr/externe/Francais/Projets/Projet_HG/organisme_HG.html) a déjà permis de produire des informations exploitables sur le plan phylogénétique. D, E. En dépit de leur apparente simplicité, les Échinodermes (ici l'oursin *Strongylocentrotus purpuratus*) et les Hémichordés (ici l'entéropneuste *Saccoglossus pusillus*) ont probablement eu des ancêtres dont le plan d'organisation était plus complexe (© photos, avec l'aimable autorisation d'Arjan Gittenberg [www.ascidians.com], Daniel Chourrout et Chris Cameron).

cette hypothèse venait à être corroborée par des données supplémentaires, telles que des séquences génomiques d'Hémichordés, elle bouleverserait alors complètement notre vision de l'évolution des Deutérostomiens. En effet, pareille phylogénie impliquerait que l'ancêtre des animaux deutérostomiens ait été un animal beaucoup plus complexe que celui considéré actuellement, avec notamment la présence de fentes branchiales, de somites, d'une chorde et d'un système nerveux dorsal (Figure 2C).

Ces nouveaux résultats devraient donc contribuer au regain d'intérêt dont bénéficient depuis quelques années les Tuniciers. En effet, notre démonstration de la proximité phylogénétique des vertébrés et de ces organismes marins méconnus donne encore plus de sens aux études biomédicales menées sur ces derniers.

Ainsi, la récente découverte d'un locus d'histocompatibilité chez l'Ascidie coloniale, *Botryllus schlosseri*, nous plonge directement aux origines de notre système immunitaire [8] tout en nous permettant de mieux comprendre le fonctionnement des cellules souches [9]. Comptant parmi les organismes producteurs de molécules aux propriétés anti-tumorales [10], les Tuniciers constituent, en outre, un réservoir potentiel de biomolécules naturelles qui ne demande qu'à être exploré. ♦

**Vertebrate origins:
does the tunic make the man?**

REMERCIEMENTS

Cette publication représente la contribution 2006-040 de l'Institut des Sciences de l'évolution de Montpellier (UMR 5554-CNRS). D.B. est chargé de recherche du FNRS.

RÉFÉRENCES

1. Satoh N. The ascidian tadpole larva : comparative molecular development and genomics. *Nat Rev Genet* 2003 ; 4 : 285-95.
2. Dehal P, Satou Y, Campbell RK, et al. The draft genome of *Ciona intestinalis* : insights into chordate and vertebrate origins. *Science* 2002 ; 298 : 2157-67.
3. Seo HC, Kube M, Edvardsen RB, et al. Miniature genome in the marine chordate *Oikopleura dioica*. *Science* 2001 ; 294 : 2506.
4. Delsuc F, Brinkmann H, Chourrou D, et al. Tunicates and not cephalochordates are the closest living relative of vertebrates. *Nature* 2006 ; 439 : 965-8.
5. Winchell CJ, Sullivan J, Cameron CB, et al. Evaluating hypotheses of deuterostome phylogeny and chordate evolution with new LSU and SSU ribosomal DNA data. *Mol Biol Evol* 2002 ; 19 : 762-76.
6. Chen JY, Huang DY, Peng QQ, et al. The first tunicate from the early Cambrian of South China. *Proc Natl Acad Sci USA* 2003 ; 100 : 8314-8.
7. Jeffery WR, Strickler AG, Yamamoto Y. Migratory neural crest-like cells form body pigmentation in a urochordate embryo. *Nature* 2004 ; 431 : 696-9.
8. De Tomaso AW, Nyholm SV, Palmeri KJ, et al. Isolation and characterization of a protochordate histocompatibility locus. *Nature* 2005 ; 438 : 454-9.
9. Laird DJ, De Tomaso AW, Weissman IL. Stem cells are units of natural selection in a colonial ascidian. *Cell* 2005 ; 123 : 1351-60.
10. Rinehart KL. Antitumor compounds from tunicates. *Med Res Rev* 2000 ; 20 : 1-27.

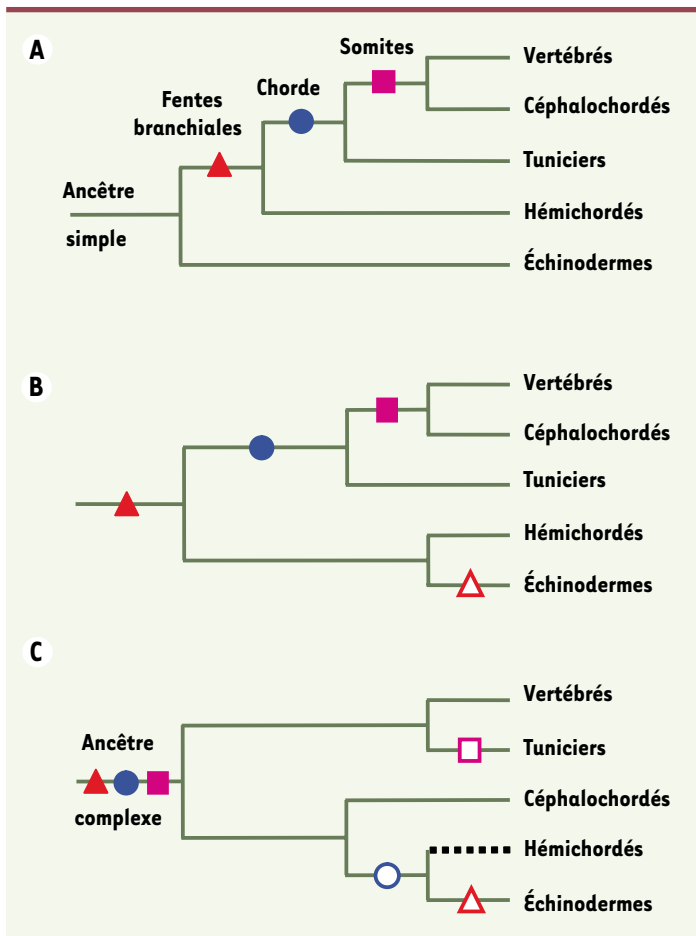


Figure 2. Évolution des relations phylogénétiques au sein des Deutérostomiens en fonction du type de caractères utilisés pour les reconstruire. A. Représentation classique reposant sur la morphologie et guidée par l'idée de complexification croissante avec apparition successive des fentes branchiales, de la chorde, puis de la segmentation du mésoderme en somites. B. Image phylogénétique proposée par l'étude de l'ARN ribosomique révélant une proche parenté entre Échinodermes et Hémichordés [5]. Ce schéma évolutif implique que les fentes branchiales étaient vraisemblablement déjà présentes chez l'ancêtre des Deutérostomiens. C. Phylogénie obtenue par l'analyse phylogénomique de 146 gènes nucléaires [4] identifiant les Tuniciers comme les plus proches parents des vertébrés et suggérant une proche parenté entre Céphalochordés et Échinodermes, les Hémichordés n'étant pour l'instant pas inclus dans cette analyse (pointillés). Cette hypothèse suppose que l'ancêtre des Deutérostomiens était probablement bien plus complexe que ce qui a été généralement postulé, avec des fentes branchiales et des caractères de type chordé comme la présence d'une chorde et de somites. L'apparition (symboles pleins) ou la perte (symboles vides) de ces différents caractères au cours de l'évolution est indiquée.