

M/S : médecine sciences



Petit lexique d'épigénétique **Définition des principaux termes utilisés dans les articles** **« Épigénétique » de ce numéro**

Volume 21, Number 4, avril 2005

Épigénétique

URI: <https://id.erudit.org/iderudit/010769ar>

[See table of contents](#)

Publisher(s)

SRMS: Société de la revue médecine/sciences
Éditions EDK

ISSN

0767-0974 (print)
1958-5381 (digital)

[Explore this journal](#)

Cite this article

(2005). Petit lexique d'épigénétique : définition des principaux termes utilisés dans les articles « Épigénétique » de ce numéro. *M/S : médecine sciences*, 21(4), 370–370.

Tous droits réservés © M/S : médecine sciences, 2005

This document is protected by copyright law. Use of the services of Érudit (including reproduction) is subject to its terms and conditions, which can be viewed online.

<https://apropos.erudit.org/en/users/policy-on-use/>

érudit

This article is disseminated and preserved by Érudit.

Érudit is a non-profit inter-university consortium of the Université de Montréal, Université Laval, and the Université du Québec à Montréal. Its mission is to promote and disseminate research.

<https://www.erudit.org/en/>

Petit lexique d'épigénétique

Définition des principaux termes utilisés dans les articles «Épigénétique» de ce numéro

Chromocentre	Région péricentromérique regroupant les centromères de plusieurs chromosomes	Histones	Pièces maîtresses de la compaction de l'ADN en chromatine, jouant un rôle majeur dans la régulation des fonctions du génome
Code histone	Ensemble des modifications post-traductionnelles (notamment acétylation, phosphorylation, méthylation et ubiquitinylation) subies par les histones et porteuses d'une information épigénétique	HMT	Histone-méthyltransférases
DMR	<i>Differentially methylated regions</i> : éléments de contrôle identifiés au niveau de la plupart des gènes soumis à empreinte, et dont la méthylation contrôle la transcription des gènes concernés	HP1	<i>Heterochromatin protein 1</i> : protéine spécifique de l'hétéchromatine interagissant avec l'histone H3 méthylée sur la lysine 9
DNMT	Méthyltransférases de l'ADN (ou ADN méthyltransférases)	Ilots CpG	Courtes régions, positionnées au niveau du promoteur ou du premier exon de plus de 60 % des gènes humains, enrichies en dinucléotides CpG
Empreinte génomique parentale	<i>Genomic imprinting</i> : marquage des génomes parentaux apposé durant la gamétogenèse. L'empreinte parentale est caractérisée par une méthylation différentielle des dinucléotides CpG de l'ADN	Nucléosome	Unité élémentaire de la chromatine, comprenant une particule cœur et une région internucléosomique. La particule cœur est composée de 146 paires de bases d'ADN enroulées autour d'un octamère protéique comprenant deux copies de chacune des histones H2A, H2B, H3 et H4
Euchromatine	Structure active de la chromatine caractérisée par l'acétylation des histones H3 et H4, la méthylation de H3 sur la lysine 4, une structure plus décondensée, une position à l'intérieur du noyau et une réplication précoce en début de phase S	Unidisomie parentale d'un chromosome	Tout ou partie d'une paire de chromosomes provenant d'un seul des deux parents
Gènes soumis à l'empreinte parentale	Au nombre d'une soixantaine aujourd'hui, ces gènes sont marqués par une empreinte parentale qui détermine leur expression différentielle aussi bien au cours du développement embryonnaire que pendant la vie adulte	Variants d'histones	Formes protéiques d'histones ayant des homologies de séquences variables et codées par des gènes différents. On distingue les histones majeures (dont l'expression est augmentée au cours de la phase S) des histones de remplacement (minoritairement représentées, exprimées également en dehors de la phase S et pouvant être incorporées dans la chromatine indépendamment de la synthèse d'ADN). Les variants d'histones sont associés de façon distincte à des structures ou à des fonctions spécifiques de la chromatine, et diffèrent également par leur mécanisme d'incorporation dans la chromatine : ils sont ainsi, au même titre que les modifications post-traductionnelles des histones, porteurs d'une information épigénétique
HAT	Histone-acétyltransférases		
HDAC	Histone-désacétylases		
Hétéro-chromatine	Structure inactive de la chromatine caractérisée par la désacétylation des histones H3 et H4, la méthylation sur la lysine 9 de l'histone H3, la méthylation de l'ADN, la condensation de la chromatine, une position de la séquence à la périphérie du noyau et une réplication tardive au cours de la phase S		