M/S: médecine sciences

Brèves





Volume 20, Number 12, décembre 2004

URI: https://id.erudit.org/iderudit/009866ar

See table of contents

Publisher(s)

SRMS: Société de la revue médecine/sciences Éditions EDK

ISSN

0767-0974 (print) 1958-5381 (digital)

Explore this journal

Cite this article

Ameisen, J.-C., Ardaillou, R., Bertolotti, A., Bichet, D., Borensztein, P., Chneiweiss, H., Waard, M. D., Ehrenberg, A., Epelbaum, J., Ferrary, é., Férré, P., Flahault, A., Friedlander, G., Galli, T., Gilgenkrantz, H., Gilgenkrantz, S., Hamelin, R., Labie, D., Larger, É., Mercadier, J.-J., Moulin, A.-M. & Hatem, S. (2004). Brèves. *M/S*: *médecine sciences*, *20*(12), 1077–1083.

Tous droits réservés © M/S: médecine sciences, 2004

This document is protected by copyright law. Use of the services of Érudit (including reproduction) is subject to its terms and conditions, which can be viewed online.

https://apropos.erudit.org/en/users/policy-on-use/



SOMMAIRE DES BRÈVES

 L'extinction des grands canidés carnivores: quand la raison du plus fort n'est pas toujours la meilleure!

• Le costume de Néanderthal: parce qu'il le vaut bien!

 1078 • L'hémagglutinine, support de la virulence du virus de la pandémie de grippe espagnole

1079 • Un Hercule au berceau

1079 · L'ABC du cholestérol...

 Des chiens détectent le cancer de la vessie par l'odeur de l'urine

 L'érythropoïétine protège le rein des lésions d'ischémie-reperfusion

• Le cygne... (et le dinosaure) dort, la tête sous l'aile, entre deux firmaments

1081 • Un coup de fouet au cœur défaillant

1082 • Rho et dissémination cancéreuse

1082 • Agrégation sous influence

1083

 Entrée remarquée des canaux calcium dépendants du voltage dans le monde structural

> Ils étaient au moins 28 espèces différentes de grands

carnivores appartenant à la famille des *Canidae*, les *Hesperocyoninae* et les *Borophaginae*, qui cohabitaient il y a 30 millions d'années (MA). Ils ont disparu aujourd'hui et ont été remplacés par des carnivores plus petits, dont la lignée qui a conduit à l'unique espèce de chien moderne [1]. Les raisons de l'extinction d'une espèce sont souvent plus difficiles à déchiffrer que celles de son expansion, souvent associées à une sélection lui permettant une meilleure adaptation aux variations écologiques. La richesse en fossiles canins de

l'Amérique du Nord a permis à une équipe californienne [1] de déduire, à partir d'indices morphométriques (sur les dents et les os du maxillaire), la taille et le type d'alimentation de ces deux sous-familles et d'élaborer une hypothèse: la nature de leur succès a aussi fait leur perte! Dans ces deux sous-familles, on note en effet une augmentation de la masse corporelle avec le temps (400% sur 25 MA pour les Hesperocyoninae et 600% sur 35 MA pour les Borophaginae). Cette augmentation de la taille de certains mammifères au cours de l'évolution avait déjà été mise en évidence il y a

une centaine d'années par un paléontologue, Edwin Cope. Décrite depuis lors pour plusieurs autres espèces comme le cheval, cette observation est désormais connue sous le terme de « loi de Cope ». Mais l'équipe de B. Van Valkenburg est allée plus loin et a pu observer

L'extinction des grands canidés carnivores : quand la raison du plus fort n'est pas toujours la meilleure!

qu'en devenant plus grandes, ces espèces de chiens ont évolué vers un régime de plus en plus carné. Or, une estimation a permis d'indiquer que les espèces hypercarnivores n'ont pas persisté plus de 6 MA alors que les espèces omnivores, au régime plus équilibré, ont perduré environ 11 MA. Bien sûr, l'augmentation de la taille

des animaux a permis à ces grands toutous d'éviter plus de prédateurs et d'attraper plus facilement leurs proies. Sans doute aussi a-t-elle permis d'augmenter leurs chances de succès reproductifs et d'éliminer les compétiteurs plus petits. Mais ce processus évolutif de spécialisation vers un régime exclusivement carné étant difficilement réversible, il les a également rendus plus fragiles et plus sensibles aux modifications environnementales et donc à l'extinction. Moralité: Jean de La Fontaine, dans ses fables, n'avait pas pris en compte l'évolution.◊



- 1. Galibert F, et al. Med Sci (Paris) 2004; 20: 761-6.
- 2. Van Valkenburgh B, et al. Science 2004; 306: 101-4.

1077

Le costume de Néandertal: parce qu'il le vaut bien!

1. Balter M. *Science* 2004; 306: 40-1.

> Prognathe, de grosses arcades sourcilières, une charpente massive, un cerveau plus volumineux que le nôtre, l'homme de Néandertal n'inspirait pas

confiance! Arrivé en Europe il y a 150000 ans. il cohabita avec l'homme de

Cro-Magnon avant de disparaître il y a environ 25000 ans. On disait sa culture (Moustérienne) plus rustre que celle de l'homme moderne (Aurignacienne) qui, noblesse oblige, fut celle de l'art des cavernes et de la révolution du paléolithique supérieur. Ça n'est pourtant pas la conclusion à laquelle sont parvenus quelques-uns des scientifiques qui se sont réunis en août dernier au troisième congrès sur les origines de l'homme à Gibraltar, lieu de la découverte du premier spécimen néandertalien en 1848 [1]. Il semblerait en effet que l'homme de Néandertal n'ait pas été tellement mieux adapté que l'homme moderne au froid qui régnait à cette époque. Par ailleurs, même si les aiguilles à coudre sont apparues depuis moins de 25000 ans, l'homme de Néandertal aurait pu utiliser des os taillés pour faire des trous dans les peaux qu'il savait travailler. Il était alors vraisemblablement en

compétition avec l'homme de Cro-Magnon dans ce domaine. Pour la plupart des archéologues, l'acculturation des Néandertaliens se serait faite en copiant les techniques de l'homme moderne. Pour certains autres au contraire. Néandertal et l'homme moderne se seraient unis pour participer à cette première révolution culturelle! Certes, les arguments pour l'affirmer sont ténus: on a retrouvé en grande quantité des os de chouette finement travaillés dans une grotte occupée d'abord par les Néandertaliens à Rennes, et une datation revisitée porterait à 40 000 ans les premiers éléments culturels, avant donc l'entrée en scène de l'homme moderne. La marge d'erreur pouvant atteindre quelque 2500 ans, cette nouvelle estimation reste controversée! Il faudra donc encore quelques années supplémentaires pour hisser l'homme de Néandertal sur le même piédestal que celui de notre ancêtre! En attendant, même s'il ne fut pas à l'origine des premiers défilés de haute couture, le fossé que nous avions creusé entre lui et Cro-Magnon semble bien se combler petit à petit... ◊

L'hémagglutinine, support de la virulence du virus de la pandémie de grippe espagnole

> L'épidémie de grippe espagnole de 1918-1919 fut extrêmement meurtrière, faisant plus de 20 millions de victimes. Le virus causal, particulièrement virulent, responsable d'une infection pulmonaire d'évolution rapide, atteignit notamment les sujets jeunes. Les raisons de cette virulence exacerbée n'étaient pas connues jusqu'à ce que le séquençage de plusieurs gènes du virus de 1918 soit réalisé, permettant d'étudier la fonction des protéines codées par ces gènes dans des virus obtenus par génétique inverse. Ainsi, des virus contenant l'hémagglutinine (HA) et la neuraminidase de la souche de 1918 ont été produits et il a été montré que l'HA de cette souche était responsable du pouvoir pathogène [1]. Dans la continuité de ces recherches, D. Kobasa et al. [2] viennent de montrer, chez la souris, que l'HA du virus de 1918 confère un pouvoir pathogène accru à des virus grippaux recombinants, qui autrement

ne sont pas pathogènes chez cet hôte. Ainsi, des virus recombinants possédant l'HA du virus de 1918, inoculés par voie intranasale, se répliquent intensivement dans les poumons de l'animal trois jours après l'infection et sont pathogènes, entraînant une morbidité sévère.

L'infection par ces virus est caractérisée par une infiltration massive de polynucléaires associée à des hémorragies intra-alvéolaires. Les auteurs de cette étude montrent également que le pouvoir pathogène de ces virus recombinants est en rapport avec leur capacité accrue d'induire la production par les macrophages de chimiokines et de cytokines. Ainsi, la présence, dans les poumons des animaux infectés, de concentrations importantes de MIP-2, une chimiokine responsable de l'attraction des polynucléaires, conduit à un afflux intense de ces cellules et rend compte des lésions pulmonaires aiguës observées chez les animaux. Si l'HA du virus de 1918 est essentielle pour la virulence dans un modèle animal, il est probable que cette dernière est un trait polygénique, et que d'autres facteurs

viraux puissent être impliqués. ◊

- 1. Tumpey TM, et al. Proc Natl Acad Sci USA 2004; 101: 3166-71.
- **2.** Kobasa D, et al. Nature 2004; 431:703-7.

1078

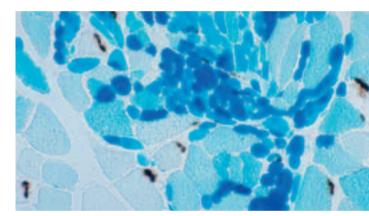
Un Hercule au berceau

- **1.** McPherron A, et al. Nature 1997; 387: 83-90.
- 2. Zimmers TA, et al. Science 2002; 296: 1486-8.
- **3.** Schuelke M, et al. N Engl J Med 2004; 350: 2682-8.

> La myostatine est une protéine de la super-famille des TGF β (transforming growth factor β) exprimée et sécrétée quasi exclusivement par les muscles

squelettiques. Elle agit localement comme un inhibiteur de la croissance musculaire en stoppant la différenciation et la croissance des fibres. L'invalidation du gène codant pour la myostatine chez la souris est associée à une augmentation spectaculaire de la masse musculaire [1]. Il existe une mutation naturelle dans certaines races de bovin (Blanc Bleu Belge) conduisant à une hypertrophie musculaire massive. À l'inverse, l'injection de myostatine chez la souris est associée à un état cachectique caractérisé par une perte de la masse musculaire [2]. M. Schuelke et al. [3] ont rapporté le cas clinique d'un enfant né avec une hypertrophie musculaire. À l'âge de 4 ans, l'enfant présente une force inha-

bituelle puisqu'il peut porter, bras tendus, 2 poids de 3 kg! Une échographie réalisée au niveau du quadriceps montre une surface musculaire doublée par rapport à des enfants de même âge. En revanche, l'épaisseur du tissu adipeux sous-cutané est réduite de moitié. Une mutation homozygote affectant un site d'épissage du gène codant pour la myostatine a été mise en évidence chez cet enfant, entraînant l'absence de protéine fonctionnelle dans le sérum. Sa mère, qui était une athlète professionnelle, est porteuse de la mutation à l'état hétérozygote. Dans sa famille, d'autres personnes sont connues comme exceptionnellement musclées et fortes. Cela suggère que des variants du gène codant pour la myostatine peuvent être associés chez l'homme à des modifications importantes de la masse musculaire. La recherche de ces variants pourrait être utilisée pour sélectionner de futurs athlètes de haut niveau, ce qui serait, éthiquement parlant, évidemment discutable. En pathologie, l'inhibition de la voie de la myostatine représente une piste intéressante dans le traitement des maladies musculaires dégénératives. ◊



Les membranes cellulaires des différents tissus sont en constant renou-

vellement. Un de leur constituant majeur, le cholestérol, ne peut être dégradé que par le foie, après conversion en sels biliaires. Pour ce faire, le transport inverse du cholestérol permet de l'acheminer des tissus jusqu'au foie après son transfert sur des lipoprotéines de haute densité

(HDL, high density lipoproteins). Les HDL, qui portent donc le « bon cholestérol » naîssent au contact des cellules périphériques par « lipidation» des apolipoprotéines de type apoAl. Il y a quelques années, la protéine responsable de ce transfert sur les apolipoprotéines

pauvres en lipides a été identifiée. C'est un transporteur membranaire de la famille des ATP-binding cassette, ABCA1. Une mutation du gène qui code pour cette protéine est la cause de la maladie de Tangier, caractérisée par une quasi-absence d'HDL dans la circulation et par l'accumulation de cholestérol dans certains tissus [1]. La baisse de l'HDL-cholestérol plasmatique constitue un facteur de risque majeur d'athérosclérose puisqu'elle traduit une diminution de son élimination hépatique et son accumulation dans les cellules, et en particulier dans les macrophages. La protéine ABCA1 est donc devenue une cible de première importance pour le traitement de l'athérosclérose. Cependant, plusieurs études indiquent qu'ABCA1 ne pouvait expliquer à elle seule les variations de l'HDL-cholestérol dans la population générale. Le groupe d'A. Tall [2] vient d'identifier deux nouveaux membres de la famille ATPbinding cassette, ABCG1 et ABCG4, comme les responsables du transfert du cholestérol cellulaire sur les HDL déjà partiellement « lipidées », qui représentent la grande majorité des particules circulantes. Lorsqu'elles

L'ABC du cholestérol...

sont surexprimées dans des macrophages, ABCG1 et ABCG4 stimulent le transfert du cholestérol des cellules vers les HDL déjà formées, sans modifier le transfert initial sur l'apoA1 qui reste l'apanage d'ABCA1. Outre leur intérêt pour le décryptage des mécanismes moléculaires du transport inverse du cholestérol et du traitement de l'athérosclérose, ces résultats permettent d'attribuer un rôle physiologique à deux membres de la famille ABC. Parmi les 80 membres

de cette famille, nombreux sont ceux qui n'ont toujours pas de fonction connue. •

- **1.** Bodzioch M, et al. Nat Genet 1999; 22: 347-51.
- 2. Wang N, et al. Proc Natl Acad Sci USA 2004; 101: 9774-9.

M/S n° 12, vol. 20, décembre 2004

À la suite d'observations isolées sans valeur probante. C. Willis et al. [1] ont recherché si des chiens entraînés pouvaient reconnaître des cancers de la vessie par l'odeur provenant de l'urine des patients. Six chiens d'espèces et d'âges différents furent entraînés à cette tâche en mettant chacun d'eux en présence de

7 échantillons d'urine dont un en prove-

nance d'un malade atteint de cancer de la vessie. Après conditionnement par des récompenses en cas de succès, les animaux apprirent à faire savoir leur choix en se couchant auprès de l'échantillon détecté. Les témoins comportaient des urines de sujets sains ou atteints d'affections urologiques non cancéreuses ou contenant du sang. Un total de 36 malades des deux sexes atteints de cancers, vus initialement ou en rechute, et de 108 sujets témoins fournirent chacun un échantillon

> d'urines dont les uns furent utilisés pour l'entraînement et les autres pour l'évaluation. Après recueil, les urines furent congelées en plusieurs échantillons et présentées aux chiens après décongéla-

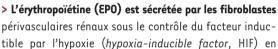
Des chiens détectent le cancer de la vessie par l'odeur de l'urine

1. Willis C, et al. Br Med J 2004; 329 - 712

tion jusqu'à 5 mois plus tard. Pour l'évaluation, chaque chien fut mis en présence de 9 groupes d'urines incluant chacun

une urine pathologique et 6 urines témoins. On compara pour chaque chien la proportion moyenne de succès avec le chiffre attendu de 1/7 (14%). Sur les 54 expériences (6 chiens x 9 tests). le résultat fut positif 22 fois

(41% de succès). L'analyse statistique montra que le succès n'était pas corrélé à des caractéristiques physico-chimiques de l'urine (présence de sang ou de corps cétoniques, infection urinaire). Fait important, le seul faux positif constaté concernait un sujet chez lequel un cancer du rein fut ultérieurement détecté. Ce travail montre que les chiens sont sensibles à des molécules volatiles, seules ou en combinaison, présentes dans l'urine de malades atteints de cancer de la vessie. Certaines sont connues, d'autres sont à découvrir. On n'en est pas encore au stade où le diagnostic canin remplacera la cystoscopie, mais, si on arrive à parfaire l'entraînement des animaux, ce test de dépistage, peu coûteux et facile à mettre en œuvre, pourrait conduire à la cystoscopie en cas de positivité. ◊



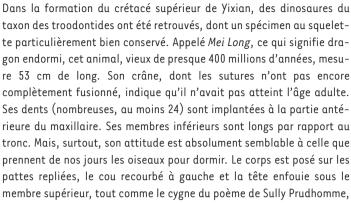
tible par l'hypoxie (hypoxia-inducible factor, HIF) en réponse à la diminution locale de la pression partielle

d'oxygène. Elle stimule la prolifération et la différenciation des progéniteurs érythroïdes dans la moelle osseuse en inhibant l'apoptose. Les récepteurs de l'EPO sont présents dans de nombreux tissus dont le cerveau et les reins. Les effets cellulaires de l'EPO impliquent la phosphorylation de la protéine kinase B (PKB/Akt) par la phosphatidylinositol-3 kinase (PI3K) et les ERK (extracellular signal-regulated kinases), suivie de l'activation de nombreux facteurs anti-apoptotiques. Outre ses effets sur l'érythropoïèse, l'EPO exerce des effets protecteurs sur le cerveau soumis à une ischémie. E.J. Sharples et al. [1] viennent de montrer qu'il en était de même pour les reins. Un protocole d'ischémie-reperfusion a été mis en œuvre chez 86 rats anesthésiés dont les artères rénales ont été clampées pendant 45 minutes, puis reperfusées. Ces rats ont été répartis en 6 groupes: rats témoins seulement lombotomisés et perfusés (groupe 1), rats témoins traités par l'érythropoïétine (groupe 2), rats soumis au protocole d'ischémie-reperfusion traités uniquement par du soluté salé (groupe 3) ou par 300 U/kg d'EPO administrées soit 30 minutes avant l'ischémie (groupe 4), soit 5 minutes avant (groupe 5) ou 30 minutes après la reperfusion (groupe 6). L'EPO fit montre d'effets protecteurs dans les groupes 4 et 5 comparés au groupe 3: la créatininémie et l'excrétion urinaire de N-acétyl- β -D-glucosaminidase (un marqueur des lésions tubulaires) furent significativement diminuées; les lésions tubulaires de dilatation avec gonflement de la paroi et infiltration de polynucléaires étaient réduites; il y avait moins de cellules en voie de nécrose ou d'apoptose;

L'érythropoïétine protège le rein des lésions d'ischémie-reperfusion

l'activité et la concentration (mesurée par Western blot) de la caspase-3, enzyme clé de l'apoptose, étaient également diminuées. Le groupe 6 ne fut que très partiellement protégé. Dans une deuxième série d'expériences in vitro, les auteurs étudièrent l'effet protecteur de l'EPO dans des cellules tubulaires humaines de la lignée HK-2 privées de sérum pendant 24 h. Les cellules traitées eurent une meilleure viabilité et furent protégées de l'apoptose avec une moindre fragmentation de l'ADN, une activation réduite de la caspase-3 et une meilleure expression des protéines anti-apoptotiques (Bcl-XL). Enfin, les auteurs ont montré que l'effet anti-apoptotique de l'EPO passait par la stimulation de la voie des Janus kinases (JAK), suivie de la phosphorylation de PKB/Akt sous l'influence de la PI3K. La démonstration selon laquelle l'EPO protège les cellules tubulaires des effets nocifs de l'ischémie devrait conduire à un nouveau traitement préventif (et éventuellement curatif) de l'insuffisance rénale aiguë d'origine ischémique. ◊

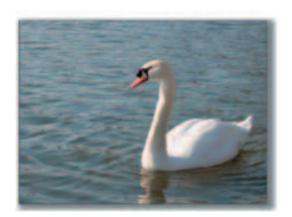
1. Sharples EJ, et al. J Am Soc Nephrol 2004; 15: 15-21-4.



Il s'agit du plus ancien animal à prendre cette pose qui, chez les oiseaux, est censée réduire la surface corporelle exposée au refroidissement pour conserver la chaleur de la tête. Ce qui suggèrerait que ce petit dragon était à sang chaud... •



431:838-41.



> Il ne se passe guère de mois sans que les gisements de vertébrés fossilisés de la province de Liaoning au nord-est de la Chine ne nous apportent

Le cygne... (et le dinosaure) dort, la tête sous l'aile, entre deux firmaments

leur lot de découvertes sur les dinosaures ou autres espèces disparues. Mais les squelettes, parfois dispersés, ne révèlent pas la manière de vivre et de se mouvoir de ces animaux, dont certains sont les ancêtres des oiseaux.

> Peut-on traiter l'insuffisance cardiaque par thérapie génique? Cette question, déjà ancienne, en soulève deux autres: (1) existe-t-il une cible moléculaire permettant d'agir sur cette affection? (2) Comment obtenir un transfert diffus à l'ensemble de la masse myocardique d'un transgène? L'article de N.C. Lai et al. [1] est le dernier d'une série émanant d'une équipe qui tente depuis plusieurs années de répondre à ces deux questions. Tout d'abord, ce travail confirme l'intérêt d'ac-

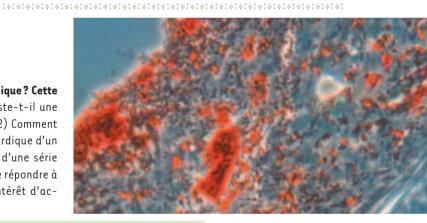
croître l'activité de l'adénlylate cyclase (par surexpression du gène) pour améliorer la fonction de la pompe cardiaque. Cette enzyme, couplée aux récepteurs β -adrénergiques transmembranaires, produit de l'AMPc qui, via l'activation des protéine kinases de type A, va stimuler de nombreux acteurs du couplage excitation-contraction: canaux calciques de

1. Lai NC, et al. Circulation 2004;

Un coup de fouet

au cœur défaillant

type L, récepteurs de la ryanodine, pompe calcique du réticulum sarcoplasmique... Le tout aboutit à une augmentation de la fréquence
cardiaque et de la contractilité myocardique. Ici, dans un modèle de
cardiopathie dilatée chez le porc, les auteurs montrent que la surexpression de cette enzyme améliore de façon très significative les paramètres hémodynamiques ainsi que le remodelage ventriculaire.
Malheureusement, on sait qu'améliorer la fonction du muscle cardiaque défaillant n'augmente pas la survie, au contraire: c'est un peu
comme fouetter un cheval malade. Consciente de cet écueil, l'équipe



évoque des données récentes montrant que la surexpression de cette enzyme pourrait moduler

favorablement les gènes impliqués dans le couplage excitation-contraction. Affaire à suivre... Les éléments de réponse apportés à la deuxième partie de la question sont plus définitifs. On peut, en injectant une solution saline contenant l'adénovirus et un puissant vasodilatateur par cathétérisme des artères coronaires, obtenir une transfection suffisamment diffuse du myocarde ventriculaire pour agir sur la fonction cardiaque globale. Mais pour combien de temps, et au prix de quelle réaction immunitaire?

M/S n° 12, vol. 20, décembre 2004

Rho et dissémination cancéreuse

- 1. Boyer B, et al. Med Sci (Paris) 2001: 17: 552-8.
- 2. Vassiliev JM, et al. Proc Natl Acad Sci USA 2004; 101: 12526-30

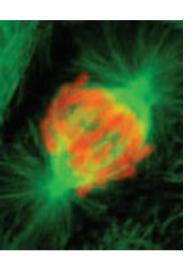
> La dissémination des cellules tumorales à partir d'une tumeur primaire avec formation de métastases est une étape

redoutable de la progression cancéreuse. Elle repose notamment sur la transition épithélio-mésenchymateuse, c'està-dire sur la dédifférenciation de cellules épithéliales en cellules fibro-

blastiques, qui quittent leur tissu d'origine pour migrer à distance et engendrer des métastases. Les petites GTPases Rho, Rac et Cdc42 sont des régulateurs impor-

tants de la dynamique du cytosquelette et de la locomotion cellulaire, une propriété essentielle des cellules épithéliales dédifférenciées [1]. Des données récentes montrant une surexpression de Rho dans des tumeurs, associée au degré de malignité, ont conduit J.M. Vasiliev et al. (Université du New Jersey, USA et Université de Moscou, Russie) à tester le

rôle de RhoA dans des cellules épithéliales en culture. Les auteurs montrent qu'une forme constitutivement active de RhoA entraîne des changements majeurs tels qu'une augmentation de contractilité avec une densité plus forte de fibres de stress d'actine produisant des cellules plus petites, le détachement des cellules du substrat et leur capacité de produire des colonies distantes. Ce détachement accompagne une mitose dont le fuseau est mal positionné, entraînant un mauvais plan de cytocinèse [2]. Les causes précises du défaut d'orientation du fuseau mitotique ne sont pas élucidées mais elles pourraient résulter d'une altération de l'état contractile du cytosquelette d'actine. Le mécanisme décrit par ces auteurs - qui se distingue du mécanisme classique de transition épithélio-mésenchymateuse, car les cellules mutantes qui restent en place ne subissent pas ce phénomène - apporte un nouveau modèle pour comprendre la dissémination des cellules cancéreuses. 0



> La chorée de Huntington est une maladie autosomique dominante due à une expansion du nombre de répétitions CAG dans le premier exon du gène

codant pour la Huntingtine, qui est traduit en une protéine avec des allongements de la séquence de polyglutamines (polyQ) [1]. Cette maladie, qui apparaît le plus souvent chez des adultes, est caractérisée par des troubles cognitifs et des mouvements involontaires; son issue est fatale. Les protéines à expansion de polyQ forment des agrégats dans le cytosol et le noyau des cellules et de nombreux travaux soutiennent le modèle selon lequel la neurodégénérescence serait due à un gain de fonction toxique de la protéine mutante. Bien qu'il soit clair à présent qu'une combinaison d'événements est à l'origine du déclenchement de la maladie, l'agrégation de la protéine mutante constitue certainement une

étape qui contribue à certains aspects des dysfonctionnements cellulaires. E. Rousseau et al. [2] ont dirigé l'expression d'un dérivé de la Huntingtine mutante dans des compar-

timents cellulaires où cette

- **1.** Lebre A, Brice A. *Med Sci (Paris)* 2001; 17: 1149-57.
- 2. Rousseau E, et al. Proc Natl Acad Sci USA 2004; 101: 9648-53
- Wexler NS, et al. Proc Natl Acad Sci USA 2004; 101: 3498-503.

Agrégation sous influence

protéine n'est pas naturellement présente et ont alors découvert que l'agrégation de cette protéine à 73 glutamines ne se produit ni dans le réticulum endoplasmique ni dans les mitochondries. Ces résultats sans précédent sont remarquables car ils démontrent que l'agrégation des polyQ est modulée de manière déterminante par l'environnement cellulaire. Ils permettent d'espérer que la cellule elle-même pourrait détenir les secrets de sa propre guérison puisqu'il existe, à l'intérieur même de celle-ci, des conditions où les polyQ ne s'agrègent pas. Ces observations impliquent qu'il existerait alors des facteurs cellulaires contrôlant l'agrégation des polyQ dans les différents compartiments. De tels facteurs pourraient maintenir les polyQ sous une forme non agrégée dans le réticulum endoplasmique ou les mitochondries. Réciproquement, un (ou des) facteur(s) pourrai(en)t favoriser l'agrégation des polyQ lorsqu'elle se produit. L'activité ou le niveau d'expression d'un tel facteur pro-agrégant pourrait augmenter avec l'âge. Il faut rappeler ici que

l'âge d'apparition de la maladie de patients porteurs de mutations identiques - même nombre de répétitions -, peut varier, ce qui a conduit à suggérer l'existence de facteurs environnementaux et génétiques modulant l'âge d'apparition de la maladie [3]. Parmi ceux-ci pourraient bien se trouver certains des modulateurs génétiques de l'agrégation suggérés par E. Rousseau et al. Leur identification pourrait ouvrir des pistes pour tenter de retarder l'âge d'apparition de la chorée de Huntington. •

Entrée remarquée des canaux calcium dépendants du voltage dans le monde structural

- 1. Chen YH, et al. Nature 2004; 429: 675-80.
- 2. Opatowsky Y, et al. Neuron 2004; 42: 387-99.
- 3. Van Petegem F, et al. Nature 2004: 429: 671-5.

> À la suite des travaux récents de trois groupes

différents. les $C\alpha^{2+}$ canaux dépendants du voltage (CCVD)

viennent de rejoindre le club très convoité des protéines cristallisées, et cela grâce à la résolution de la structure tridimensionnelle de plusieurs sous-unités β [1-3]. La structure de

ces protéines - dont la connaissance fut tant attendue du fait de leur rôle essentiel dans la régulation de ces canaux - annonce une approche nouvelle de l'étude des fonctions vitales dont dépendent ces canaux (couplages excitation-contraction, excitation-sécrétion et excitation-transcription). La résolution des sous-unités β cristallisées (β_{2a} : 1,9 Å, β_3 : 2,3 Å et β_4 : 2,3 Å) nous révèle une structure conservée, formée de deux domaines SH3 et GK. La combinaison de ces deux domaines définit une signature structurale très similaire à celle des MAGUK (membrane-associated guanylate kinases), ces protéines de la signalisation cellulaire présentes au voisinage des membranes. Structurellement proche de PSD95, un membre représentatif des MAGUK, les sous-unités β s'en distinguent cependant par l'absence de domaine PDZ, une orientation différente des deux domaines l'un par rapport à l'autre et l'absence et/ou le masquage des sites de fixation pour les nucléotides (ATP, GMP). À la structure des sous-unités β libres vient opportunément s'ajouter la structure des complexes protéiques

> β /peptide AID (alpha interaction domain). AID est cette courte séguence peptidique de la sous-unité principale α_1 sur laquelle peut s'associer chaque isoforme connue de β pour former un canal Ca²⁺ complet. Cette structure révèle, au niveau du domaine GK de β , une organisation moléculaire optimale de l'interaction α_1 - β sous la forme d'une « glissière » dans laquelle vient parfaitement s'emboîter l'hélice α du peptide AID. Ces données cristallographiques marquent le

début d'une collaboration prometteuse entre études structurales et études fonctionnelles sur les canaux CCVD. Elles devraient nous permettre de mieux comprendre les effets des mutations génétiques des sous-unités β détectées dans certains désordres neurologiques (ataxie, épilepsie). Elles vont aussi favoriser l'identification et le développement de molécules ciblant l'interaction α_1 - β pour le contrôle des canaux Ca²⁺ lors de processus physiologiques et patholo-

Quand la science rejoint l'art Collection photographique de l'Inserm (© Photothèque Inserm, Michel Depardieu)

Page 1077: Le chien, modèle de polymorphisme exacerbé (photo Francis Galibert)

Page 1079: Coupe transversale du muscle squelettique

(photo Jean-Thomas Vilquin) Page 1080: Cristaux de rénine humaine (photo Jean-Paul Mornon)

Page 1081: Lésion d'athérome au niveau de la racine de l'aorte (photo Guiseppina Caligiuri)

Page 1082: Plaquette sanguine (photo leanine Breton-Gorius)

Page 1082: Début d'anaphase (photo Isabelle Arnal)

Page 1083: Mise en évidence d'un gène codant pour un canal ionique (photo Nicolette Farman)

Les brèves de ce numéro ont été préparées par:

Jean-Claude Ameisen EMI-U.9922, Hôpital Bichat, Inserm-Université Paris VII, 46, rue Henri Huchard, 75877 Paris Cedex 18, France. Raymond Ardaillou Inserm U.489, Hôpital Tenon, 4, rue de la Chine, 75970 Paris Cedex 20, France. Anne Bertolotti Laboratoire de Génétique moléculaire, Inserm-CNRS UMR 8541, École Normale Supérieure, 45, rue d'Ulm, 75005 Paris, France. Delphine Bichet UCSF et HHMI, Genetics Development and Behavioral Sciences Building, 1550 4th Street, San Francisco, CA 94143-0725, États-Unis. Pascale Borensztein GIS-Institut des Maladies rares, Hôpital Broussais, 102, rue Didot, 75014 Paris, France. Hervé Chneiweiss Inserm U.114, Collège de France, 11, place Marcellin Berthelot, 75231 Paris Cedex 05, France. Michel De Waard Inserm U.607, DRDC-CEA, 17, rue des Martyrs, 38054 Grenoble Cedex 09, France. Alain Ehrenberg Cesames (Centre de recherche psychotropes, santé mentale, société), FRE 2321, Cnrs-Université René Descartes Paris V, Iresco, 59-61, rue Pouchet, 75849 Paris Cedex 17, France. Jacques Epelbaum IFR Broca-Sainte-Anne sur les affections du système nerveux central, Inserm U.549, 2ter, rue d'Alésia, 75014 Paris, France. Évelyne Ferrary Inserm EMI-U.0112, Faculté Xavier Bichat, 16, rue Henri Huchard, 75870 Paris Cedex 18, France. Pascal Férré Inserm U.465, Institut Biomédical des Cordeliers, 15, rue de l'École de Médecine, 75006 Paris, France. Antoine Flahault Inserm U.444, Faculté de Médecine Saint-Antoine, 27, rue de Chaligny, 75571 Paris Cedex 12, France. Gérard Friedlander Inserm U.426, Faculté Xavier Bichat, 16, rue Henri Huchard, 75870 Paris Cedex 18, France. Thierry Galli Inserm

U.536, Centre de recherche Inserm, 17, rue du Fer à Moulin, 75005 Paris, France. Hélène Gilgenkrantz Institut Cochin, Département de génétique, développement et pathologie moléculaires, Inserm U.567 - UMR 8104 Cnrs, 24, rue du Faubourg Saint-Jacques, 75014 Paris, France. Simone Gilgenkrantz 9, rue Basse, 54330 Clerey-sur-Brenon, France. Richard Hamelin CEPH-Inserm U.434, 27, rue Juliette Dodu, 75010 Paris, France. Dominique Labie Institut Cochin, Département de génétique, développement et pathologie moléculaires, Inserm U.567, 24, rue du Faubourg Saint-Jacques, 75014 Paris, France. Étienne Larger Inserm U.36, Collège de France, 11, place Marcellin Berthelot, 75005 Paris, France. Jean-Jacques Mercadier Inserm U.460, Faculté Xavier Bichat, 16, rue Henri Huchard, BP 416, 75870 Paris Cedex 18, France. Anne-Marie Moulin IRD, Département société et santé, 213, rue Lafayette, 75010 Paris, France. Stéphane Hatem Inserm U.460, Faculté de Médecine Xavier Bichat, 46, rue Henri Huchard, 75018 Paris, France.

> 1083 M/S n° 12, vol. 20, décembre 2004